Prot. n. 0135359 del 13/07/2020

Al Dirigente APOS

Piazza Verdi, 3

40126 Bologna

OGGETTO: "Trasmissione dei verbali - PROCEDURA SELETTIVA BANDITA AI SENSI DELL'ART. 18 LEGGE 240/2010 PER LA COPERTURA DI 1 POSTO DI PROFESSORE UNIVERSITARIO, FASCIA I, SETTORE CONCORSUALE 05B1, SSD BIO08-ANTROPOLOGIA BANDITA CON DR D.R. 53 del 21/01/2020 DAL DIPARTIMENTO DI BENI CULTURALI

La sottoscritta Prof. Olga Rickards in qualità di Presidente della Commissione giudicatrice nominata per la procedura in oggetto, trasmette in allegato alla presente:

N° 1 Verbali con relativi allegati

Distinti saluti

Roma, 9 luglio 2020

Prof. Olga Rickards

Of Rilars

ALMA MATER STUDIORUM UNIVERSITA' DI BOLOGNA

PROCEDURA SELETTIVA BANDITA AI SENSI DELL'ART. 18 LEGGE 240/2010 PER LA COPERTURA DI 1 POSTO DI PROFESSORE UNIVERSITARIO, FASCIA I, SETTORE CONCORSUALE 05B1, SSD BIO08-ANTROPOLOGIA BANDITA CON DR D.R. 53 del 21/01/2020 DAL DIPARTIMENTO DI BENI CULTURALI RIF: 1120

VERBALE N. 2

Alle ore 16:00 del giorno 9 luglio 2020 si riunisce avvalendosi di strumenti telematici di lavoro collegiale, ai sensi dell'art.8 comma 11 del Regolamento di Ateneo emanato con D.R. 977/2013, la commissione giudicatrice composta dai seguenti professori:

- Prof. Olga Rickards, Presidente, Università di Roma Tor Vergata
- Prof. David Caramelli, Segretario, Università di Firenze
- Prof. Francesco Cecconi, Componente, Università di Roma Tor Vergata

La Commissione si riunisce collegialmente mediante videoconferenza In particolare, risulta che:

la prof. Olga Rickards è collegata in videoconferenza da Univ. di Roma Tor Vergata il prof. David Caramelli è collegato in videoconferenza da Univ. Di Firenze il prof. Francesco Cecconi è collegato in videoconferenza da Univ. di Roma Tor Vergata

La Commissione, verificato il regolare funzionamento dell'impianto di videoconferenza, e accertato che tutti i componenti risultano regolarmente presenti alla seduta telematica, dichiara aperti i lavori.

La Commissione verifica che i criteri siano stati pubblicati sul sito web di Ateneo nella pagina dedicata alle procedure.

La Commissione prende visione dell'elenco dei candidati fornito dall'Amministrazione e della documentazione resa disponibile con modalità telematiche relativa ai candidati ai fini della valutazione. Ognuno dei commissari dichiara di non avere relazioni di parentela ed affinità entro il 4° grado incluso con i candidati e che non sussistono le cause di astensione di cui all'art. 51 c.p.c.

La Commissione dichiara che non sussiste comunanza di vita né alcuna collaborazione professionale che presupponga comunione di interessi economici con carattere di sistematicità, stabilità e continuità tra i commissari ed i candidati e che non sussistono

collaborazioni di carattere scientifico con i candidati che possano configurarsi come sodalizio professionale.

La Commissione avvia la fase di valutazione.

I candidati da valutare sono:

1. Prof. Donata Luiselli

2. Prof. Luca Pagani

I Commissari si impegnano a trattare le pubblicazioni dei candidati esclusivamente nell'ambito della presente procedura valutativa.

La Commissione avvia la valutazione dei candidati compilando, per ogni candidato, una scheda di valutazione allegata al presente verbale.

Al termine della Valutazione i candidati hanno ottenuto i seguenti punteggi

CANDIDATA DONATA LUISELLI

Dalla scheda di valutazione allegata risulta che la Commissione ha attribuito al candidato PUNTI 98,97

CANDIDATO LUCA PAGANI

Dalla scheda di valutazione allegata risulta che la Commissione ha attribuito al candidato PUNTI 57,92. Il candidato non viene collocato in graduatoria non raggiungendo, all'esito della valutazione, un punteggio di almeno 65 punti.

Al termine della valutazione dei candidati la Commissione, all'unanimità, colloca i candidati secondo il seguente ordine

1. Donata Luiselli

La Commissione alle ore 20:00 dichiara chiusa la seduta.

Il Presente verbale viene redatto a cura della Prof. Olga Rickards previa lettura del medesimo agli altri commissari in videoconferenza, i quali dichiarano che il medesimo corrisponde a quanto deliberato dall'organo

Roma, 9 luglio 2020

Prof. Olga Rickards, Presidente

Presente il prof. David Caramelli, collegato in videoconferenza da Univ. di Firenze Presente il prof. Francesco Cecconi, collegato in videoconferenza da Univ. di Roma Tor Vergata

ALLEGATO 1 - SCHEDE DI VALUTAZIONE

CANDIDATA 1. PROF. DONATA LUISELLI

Attività di ricerca – (Punti attribuibili max 18)

Tabella A - Attività

ATTIVITA'	PUNTI max
Organizzazione, direzione e coordinamento di centri o gruppi di ricerca nazionali e internazionali o partecipazione agli stessi e altre attività di ricerca quali la direzione o la partecipazione a comitati editoriali di riviste:	MAX PUNTI 8
Organizzazione, direzione e coordinamento di centri o gruppi di ricerca o partecipazione agli stessi (max punti 1,5 per singolo titolo).	
La candidata presenta i seguenti incarichi svolti dal 2001 ad oggi: 1. Direzione e responsabilità scientifica del Laboratorio del DNA antico (RA); 2. Direzione, coordinamento e responsabilità scientifica del Laboratorio di Antropologia molecolare; 3. Responsabile del Centre for Genome Biology (CGB); 4. Partecipazione Laboratorio BiolnfoLab del CIRI - Scienze della vita e tecnologie per la salute, UO Medicina genomica e mitocondriale. 5. Co-responsabile IDEAS ERC-2011-AdG 295733-LANGELIN-Coordinatore del Genographic Italy Project (progetto internazionale); 6. Co-Responsabile del "Genographic Project" della National Geographic Society (progetto internazionale) 7. Co-Responsabile del "Geno 2.0 Project della National Geographic Society (progetto internazionale) 8. Responsabile di Unità PRIN 2010 (progetto nazionale); 9. Responsabile di Unità PRIN 2017 (progetto nazionale); 10. Responsabile di Unità Progetto "1000 anni di variabilità genetica a Brisighella (RA) (progetto nazionale); 11. Coordinamento del Progetto: "Taste genetic geography: a pilot study on the Emilia Romagna population" (progetto nazionale).	
3	punti
Cancaguimento di promi a di contra d	8
Conseguimento di premi e riconoscimenti nazionali e internazionali per attività di ricerca max punti 0,75 per ogni premio/riconoscimento.	MAX PUNTI 2
 La candidata presenta i seguenti riconoscimenti (N=3): Socio Corrispondente Residente dell'Accademia delle Scienze dell'Istituto di Bologna-Classe delle Scienze Fisiche; Membro del Comitato Scientifico SINdem; Membro e Rappresentante dell'Associazione Antropologica Italiana (AAI) nel Gruppo di lavoro 4 "Salute e Qualità della Vita, FISV. 	punti 2



	18
tale	6 Punti
	punti
H index= 28 ; totale citazioni 3537 (fonte Scopus ultimo disponibile) numero pubblicazioni/anno carriera: 6,5	
La Candidata presenta complessive n° 137 (1998-2019) pubblicazioni con IF	
oncorsuale, l'intensità, la continuità temporale.	
Si valuta la consistenza complessiva della candidata in relazione al settore	
spettativa stabiliti dalle leggi vigenti e diversi da quelli previsti per motivi di studio.	PUNT 6
locumentati, di sospensione del rapporto di lavoro e altri poriodi di cancada a l'	MAX
è valutata la consistenza complessiva della produzione scientifica del candidato,	
Punti 2	2
organizzatore di 3 convegni.	punti
Risulta inoltre Presidente e organizzatore del XXI Convegno nazionale AAI e co-	1
La candidata presenta le seguenti attività: 10 relazioni su invito nazionali e 3	2
nazionale ed internazionale max punti 0,75 per singolo titolo	PUN

Tabella B – Criteri di valutazione delle pubblicazioni Pubblicazioni (max 25 punti) e IF totale (max 2 punt

Pubblicazioni (max 25 punti) e IF totale (max 2 punti)	(MAX 27 Punti)
Pubblicazioni scientifiche su riviste internazionali con IF: punti max 25 attribuibili alle pubblicazioni; valore Impact Factor totale: punti max 2	Max 1 punto per singola
Massimo 25 pubblicazioni come da bando Congruenza di ciascuna pubblicazione com il COR DIO 100 del	
Congruenza di ciascuna pubblicazione con il SSD BIO/08-Antropologia (totale congruenza punti 0,25; punti 0,10 altrimenti)	Max 0,25
Apporto individuale della candidata nel caso di partecipazione della medesima a lavori in collaborazione: 1°, ultimo e corresponding = 100%. Altre posizioni: 50%.	Max. 0,25
Originalità, innovatività, rigore metodologico e rilevanza di ciascuna pubblicazione	Max. 0,25



Rilevanza scientifica della collocazione editoriale di ciascuna pubblicazione e sua diffusione all'interno della comunità scientifica

• Articoli in Q1 (0.25 punti)

• Articoli in Q2 (0.15 punti)

• Articoli in Q3 (0.10 punti)

• Articoli in Q4 (0.0 punti)

La Commissione, nella valutazione delle pubblicazioni presentate, si avvarrà anche del seguente indicatore bibliometrico riferito alla data di inizio della valutazione: impact factor totale

Si attribuisce alla candidata 1 punto se IF <100, 2 punti se IF>100

			VOTO CRITERIO A	VOTO CRITERIO B	VOTO CRITERIO C	VOTO CRITERIO D	
VALUTAZ	VALUTAZIONE ANALITICA PUBBLICAZIONI PRESENTATE		Congruenza con il settore scientifico- disciplinare BIO/08	Apporto individuale del candidato nel caso di partecipazione del medesimo a lavori in collaborazione	Originalità, innovatività, rigore metodologico e rilevanza	Rilevanza scientifica della collocazione editoriale di ciascuna pubblicazione e sua diffusione all'interno della comunità scientifica	Totale
	Genetic structure of Quechua- speakers of the Central Andes and geographic patterns of gene frequencies in South						
pubbl N. 01	Amerindian populations	Q1	0,25	0,25	0,25	0,25	1
	Fine characterization of the	-					
pubbl N. 02	Iceman's mtDNA haplogroup	Q1	0,25	0,25	0,25	0,25	1
pubbl N. 03	Kenyan crossroads: migration and gene flow in six ethnic groups from Eastern Africa	Q1	0,25	0,15	0,2	0,25	0,85
	mtDNA Variability in Two Bantu- Speaking Populations (Shona and Hutu) From Eastern Africa: Implications for Peopling and Migration Patterns in Sub-	04	0.25	0.25	0,2	0,25	0,95
pubbl N. 04	Saharan Africa	Q1	0,25	0,25	0,2	0,20	0,55
	Timing the first human migration	Q1	0,25	0,15	0,25	0,25	0,9
pubbl N. 05	into eastern Asia. mtDNA variation in East Africa unravels the history of Afro- Asiatic groups.	Q1	0,25	0,15	0,25	0,25	1
pubbl N. 07	Between Andes and Amazon: The genetic profile of the Arawak-speaking Yanesha,	Q1	0,25	0,25	0,25	0,25	1
pubbl N. 08	Inferring the genetic history of lactase persistence along the Italian peninsula from a large genomic interval surrounding the LCT gene	Q1	0,25	0,25	0,25	0,25	1
	Helena, the hidden beauty: Resolving the most common West Eurasian mtDNA control region haplotype by massively parallel sequencing an Italian	0.1	0.0	0.05	0,25	0,25	0,95
pubbl N. 09	population sample	Q1	0,2	0,25	0,25	U,Z0	0,95
pubbl N. 10	Positive selection of lactase persistence among people of Southern Arabia	Q1	0,25	0,25	0,25	0,25	1
	Inferring chronological age from DNA methylation patterns of					0,25	1
pubbl N. 11	human teeth	Q1	0,25	0,25	0,25	0,25	



Complex interplay between neutral and adaptive evolution shaped differential genomic background and diseases susceptibility along the tallian pubbl N. 13 pointsula and adaptive evolution of taste genetics, population and culture, Ancient and rocent admixture Italy trace multiple migration The genomic landscape of Nepalese Triber Double Numans reveals new insights into the rocent peopling of Southern Hally trace multiple migration Pubbl N. 16 Himalayas Q1 Q,25 Q,25 Q,25 Q,25 Q,25 Q,25 Q,25 Q,25		Epigenetic Variability across Human Populations: A Focus on DNA Methylation Profiles of the KRTCAP3, MAD1L1 and						
Complex interplay between neutral and adaptive evolution shaped differential genomic background and diseases susceptibility along the Italian pubbl N. 13 The contribution of tasts genetics, spoulation and culture, and the pubbl N. 14 The culture, and the pubbl N. 15 The contribution of tasts genetics, spoulation and culture, and the pubbl N. 15 The genetic and the Mediterranean of the pubbl N. 15 The genetic legisty of the Yaghnobis. A withest of the Yaghnobis. A withest of the Yaghnobis. A withest of the High-altitude pubbl N. 15 Gut microbions and its relationship with diel, lifestyle and adaptation to the high-altitude pubbl N. 20 Genomic provisions of the Heatza hubbl N. 20 Genomic provisions of the Heatza hubbl N. 20 Genomic provisions of the Heatza hubbl N. 25 Central Asia United Studential pubbl N. 25 Central Asia United Studential pubbl N. 25 Central Asia United Studential pubbl N. 26 Central Asia United Studential pubbl N. 27 General Central Asia United Studential pubbl N. 28 Central Asia United Studential pubbl N. 29 Central Asia United Studential pubbl N. 29 Central Asia United Studential pubbl N. 20 Central Asia United Studential United Studential Pubbl N. 25 Central Asia United Studential United Studentialy	pubbl N. 12	BRSK2 Genes	Q1	0,25	0,25	0.25	0.25	1
The contribution of tasts genetics, population and culture, Ancient and recent admixture layers in Sicily and Southern tay trace multiple migration routes along the Mediterranean Q1 0,25 0,25 0,25 0,25 0,25 1 The genomic landscape of Nepalese Tiberto-Burmans reveals new insights into the recent peopling of Southern Himilary as the PMB of	pubbl N. 13	neutral and adaptive evolution shaped differential genomic background and disease susceptibility along the Italian	01					
pubbl N. 14 culture. Q1 0,25 0,25 0,25 0,15 0,9 Ancient and recent admixture layers in Sicily and Southern lataly trace multiple migration routes along the Mediterranean Q1 0,25 0,25 0,25 0,25 0,25 1 The genomic landscape of Nepalese Tibeto-Burmans reveals new insights into the recent peopling of Southern Himalayss Q1 0,25 0,25 0,25 0,25 1 Multiple selective events at the PROMM6 functional pathway shaped adaptation of western European populations to different climate conditions Q1 0,25 0,25 0,25 0,25 0,25 1 Three Reportedy Urrelated Farmilies With Liddle Syndrome Inherited From a Common Ancestor Urrelated Farmilies With Liddle Syndrome Inherited From a Common Ancestor Urrelated Farmilies With Liddle Syndrome Inherited From a Common Ancestor Urrelated Farmilies With Liddle Syndrome Inherited From a Common Ancestor Urrelated Farmilies With Liddle Syndrome Inherited From a Common Ancestor Urrelated Farmilies With Liddle Syndrome Inherited From a Common Ancestor Urrelated From a Common Microbiota Composition in historically reshuffled central Asia Garden Virginia Virgin			<u> </u>	0,20	0,20	0,25	0,25	1
Ancient and recent admixture layers in Sicily and Southern Italy trace multiple migration routes along the Mediterranean Q1 0,25 0,25 0,25 0,25 1 The genomic landscape of Nepalese Tibeto-Burmans reveals new insights into the recent peopling of Southern Hadyayas Q1 0,25 0,25 0,25 0,25 1 Multiple selective events at the PRDMI functional pathway shaped adaptation of western European populations to different climate conditions Q1 0,25 0,25 0,25 0,25 1 Three Reportedly Unrelated Families With Liddle Syndrome Inherited From a Common Q1 0,25 0,25 0,25 0,25 0,25 1 The genetic legacy of the Yaginobis A witness of an ancient Eurasian ancestry in the historically reshifted central populations and its relationship with diet, lifestyle and adaptation to the high-altitude pubbl N. 20 environment Estimating Y-Str Mutation Rates and Timica Through Deep-pubbl N. 21 Estimating Y-Str Mutation Rates and Timica Through Deep-pubbl N. 22 Cut microbiome of the Hadza pubbl N. 23 Americans Q1 0,25 0,25 0,25 0,25 0,25 0,25 0,88 0,88 0,88 0,90 0,90 0,90 0,90 0,90	pubbl N. 14	genetics, population and culture.,	Q1	0,25	0,25	0.25	0.15	ng
The genomic landscape of Nepalese Tibeto-Burmans reveals new insights into the recent peopling of Southern Himalayas Q1 0.25 0.25 0.25 0.25 1 Multiple selective events at the PRDM 16 functional pathway shaped adaptation of western European populations to different climate conditions Q1 0.25 0.25 0.25 0.25 1 Three Reportedly Unrelated Families With Liddle Syndrome Inherited From a Common Q1 0.25 0.25 0.25 0.25 0.25 1 The genetic legacy of the Yaghnobis: A witness of an ancient Eurasian ancestry in the historically reshuffled central pubbl N. 18 Asian gene pool Q1 0.25 0.25 0.25 0.25 1 Gut microbiota composition in himalayan and andean populations and its relationship with diet, lifestyle and adaptation to the high-altitude environment Estimating Y-Str Multation Rates and Timota Through Deeppubbl N. 20 environment Q1 0.25 0.25 0.25 0.25 0.25 0.25 0.25 0.25		layers in Sicily and Southern Italy trace multiple migration				5,20	0,10	0,3
In genomic landscape of Nepalese Tibeto-Burmans reveals new insights into the recent peopling of Southern Himalaysa (1 0,25 0,25 0,25 0,25 0,25 1 Multiple selective events at the PRDM16 functional pathway shaped adaptation of western European populations to different climate conditions (1 0,25 0,25 0,25 0,25 0,25 0,25 1 Three Reportedity Unrelated Families With Liddle Syndrome Inherited From a Common Ancestor (1 0,25 0,25 0,25 0,25 0,25 1 Three Reportedity Unrelated Families With Liddle Syndrome Inherited From a Common Ancestor (1 0,25 0,25 0,25 0,25 0,25 1 Three Reportedity Unrelated Families With Liddle Syndrome Inherited From a Common Ancestor (1 0,25 0,25 0,25 0,25 0,25 1 Three Reportedity Inherited From a Common Ancestor (2 0,25 0,25 0,25 0,25 0,25 1 Three Reportedity reshuffled central Asian gene pool (2 0,25 0,25 0,25 0,25 0,25 1 Three Reportedity reshuffled central Asian gene pool (2 0,25 0,25 0,25 0,25 0,25 0,25 1 Three Reportedity reshuffled central Asian gene pool (2 0,25 0,25 0,25 0,25 0,25 0,25 0,25 0,2	pubbl N. 15	routes along the Mediterranean	Q1	0,25	0,25	0,25	0,25	1 1
Multiple selective events at the PRDM16 functional pathway shaped adaptation of western European populations to different climate conditions pubbl N. 17 different climate conditions Three Reportedly Unrelated Families With Liddle Syndrome Inherited From a Common Ancestor Q1 0,25 0,25 0,25 0,25 0,25 1 The genetic legacy of the Yaghnobis: A witness of an ancient Eurosian ancestry in the historically reshuffled central pubbl N. 19 Asian gene pool Q1 0,25 0,25 0,25 0,25 0,25 1 Gut microbiota composition in himalayan and andean populations and its relationship with diet, lifestyle and adaptation to the high-altitude environment Q1 0,25 0,25 0,25 0,25 0,2 0,95 Estimating Y-Str Mutation Rates and Timica Through Deeppubbl N. 21 Rooting Italian Pedigrees Q1 0,25 0,25 0,25 0,25 0,2 0,95 Gut microbiome of the Hadza hunter-gatherers Q1 0,25 0,125 0,25 0,25 0,25 0,88 Genomic evidence for the Pleistocene and recent population history of Native Americans Q1 0,25 0,125 0,25 0,25 0,25 0,88 Inferring patterns of folkate diffusion using genomic data The formation of human populations in South and pubbl N. 25 Central Asia Q1 0,25 0,125 0,25 0,25 0,25 0,88		Nepalese Tibeto-Burmans reveals new insights into the recent peopling of Southern						
PRDM16 functional pathway shaped adaptation of western European populations to different climate conditions Q1 0,25 0,25 0,25 0,25 1 Three Reportedly Unrelated Families With Liddle Syndrome Inherited From a Common Ancestor Q1 0,25 0,25 0,25 0,25 0,25 1 The genetic legacy of the Yaghnobis: A witness of an ancient Eurasian ancestry in the historically reshuffled central bistorically reshuffled central pubbl N. 19 Asian gene pool Q1 0,25 0,25 0,25 0,25 1 Gut microbiota composition in himalayan and andean populations and its relationship with diet, lifestyle and adaptation to the high-altitude environment Q1 0,25 0,25 0,25 0,25 0,25 0,25 0,25 0,25	pubbl N. 16		Q1	0,25	0,25	0,25	0,25	1 1
Three Reportedly Unrelated Families With Liddle Syndrome Inherited From a Common Q1 0,25 0,25 0,25 0,25 1 The genetic legacy of the Yaghnobis: A witness of an ancient Eurasian ancestry in the historically reshuffled central Asian gene pool Q1 0,25 0,25 0,25 0,25 1 Gut microbiota composition in himalayan and andean populations and its relationship with diet, lifestyle and adaptation to the high-altitude environment Q1 0,25 0,25 0,25 0,2 0,35 Estimating Y-Str Mutation Rates and Timica Through Deeppubbl N. 21 Rooting Italian Pedigrees Q1 0,25 0,25 0,25 0,25 0,25 0,25 0,25 0,25		PRDM16 functional pathway shaped adaptation of western European populations to						
Infree Reportedly Unrelated Families With Liddle Syndrome Inherited From a Common Ancestor Q1 0,25 0,25 0,25 0,25 1 The genetic legacy of the Yaghnobis: A witness of an ancient Eurasian ancestry in the historically reshuffled central Asian gene pool Q1 0,25 0,25 0,25 0,25 1 Gut microbiota composition in himalayan and andean populations and its relationship with diet, lifestyle and adaptation to the high-altitude environment Q1 0,25 0,25 0,25 0,2 0,35 Estimating Y-Str Mutation Rates and Timrca Through Deeppubbl N. 21 Rooting Italian Pedigrees Q1 0,25 0,25 0,25 0,2 0,35 Gut microbiome of the Hadza hunter-gatherers Q1 0,25 0,125 0,25 0,25 0,25 0,88 Genomic evidence for the Pleistocene and recent population history of Native Americans Q1 0,25 0,125 0,25 0,25 0,25 0,88 Inferring patterns of folktale diffusion using genomic data Q1 0,25 0,125 0,25 0,25 0,25 0,88 The formation of human populations in South and Q1 0,25 0,125 0,25 0,25 0,25 0,88	pubbl N. 17	different climate conditions	Q1	0,25	0,25	0,25	0,25	1 1
Yaghnobis: A witness of an ancient Eurasian ancestry in the historically reshuffled central Asian gene pool Q1 0,25 0,25 0,25 0,25 1 Gut microbiota composition in himalayan and andean populations and its relationship with diet, lifestyle and adaptation to the high-altitude environment Q1 0,25 0,25 0,25 0,25 0,2 0,95 Estimating Y-Str Mutation Rates and Tmrca Through Deeppubbl N. 21 Rooting Italian Pedigrees Q1 0,25 0,25 0,25 0,25 0,2 0,95 pubbl N. 22 Inter-gatherers Q1 0,25 0,12 0,25 0,25 0,25 0,88 Genomic evidence for the Pleistocene and recent population history of Native Americans Q1 0,25 0,125 0,25 0,25 0,25 0,88 Inferring patterns of folktale pubbl N. 24 diffusion using genomic data Q1 0,25 0,125 0,25 0,25 0,88 The formation of human populations in South and Q1 0,25 0,125 0,25 0,25 0,25 0,88	pubbl N. 18	Families With Liddle Syndrome Inherited From a Common Ancestor	Q1	0,25	0,25	0,25		1
himalayan and andean populations and its relationship with diet, lifestyle and adaptation to the high-altitude environment Q1 0,25 0,25 0,25 0,2 0,95 Estimating Y-Str Mutation Rates and Tmrca Through Deeppubbl N. 21 Rooting Italian Pedigrees Q1 0,25 0,25 0,25 0,2 0,95 Gut microbiome of the Hadza hunter-gatherers Q1 0,25 0,125 0,25 0,25 0,88 Genomic evidence for the Pleistocene and recent population history of Native Americans Q1 0,25 0,125 0,25 0,25 0,88 Inferring patterns of folktale diffusion using genomic data Q1 0,25 0,125 0,25 0,25 0,88 The formation of human populations in South and Q1 0,25 0,125 0,25 0,25 0,88	pubbl N. 19	Yaghnobis: A witness of an ancient Eurasian ancestry in the historically reshuffled central Asian gene pool	Q1	0,25	0,25	0,25	0,25	1
Estimating Y-Str Mutation Rates and Tmrca Through Deep-pubbl N. 21 Rooting Italian Pedigrees Q1 0,25 0,25 0,25 0,25 0,25 0,25 0,88 Gut microbiome of the Hadza hunter-gatherers Q1 0,25 0,125 0,25 0,25 0,88 Genomic evidence for the Pleistocene and recent population history of Native pubbl N. 23 Americans Q1 0,25 0,125 0,25 0,25 0,88 Inferring patterns of folktale diffusion using genomic data Q1 0,25 0,125 0,25 0,25 0,88 The formation of human populations in South and Q1 0,25 0,125 0,25 0,25 0,88	aubbl M 20	himalayan and andean populations and its relationship with diet, lifestyle and adaptation to the high-altitude						
and Tmrca Through Deep- Rooting Italian Pedigrees Q1 0,25 0,25 0,25 0,25 0,95 Gut microbiome of the Hadza hunter-gatherers Q1 0,25 0,125 0,25 0,25 0,88 Genomic evidence for the Pleistocene and recent population history of Native pubbl N. 23 Americans Q1 0,25 0,125 0,25 0,25 0,88 Inferring patterns of folktale diffusion using genomic data Q1 0,25 0,125 0,25 0,25 0,88 The formation of human populations in South and Q1 0,25 0,125 0,25 0,25 0,88 Pubbl N. 25 Central Asia Q1 0,25 0,125 0,25 0,25 0,88	pubbl N. 20		Q1	0,25	0,25	0,25	0,2	0,95
pubbl N. 22 hunter-gatherers Q1 0,25 0,125 0,25 0,25 0,88 Genomic evidence for the Pleistocene and recent population history of Native Americans Q1 0,25 0,125 0,25 0,25 0,88 Inferring patterns of folktale diffusion using genomic data Q1 0,25 0,125 0,25 0,25 0,88 The formation of human populations in South and Central Asia Q1 0,25 0,125 0,25 0,25 0,88	pubbl N. 21	and Tmrca Through Deep- Rooting Italian Pedigrees	Q1	0,25	0,25	0,25	0,2	0,95
Genomic evidence for the Pleistocene and recent population history of Native Americans Q1 0,25 0,125 0,25 0,25 0,88 Inferring patterns of folktale diffusion using genomic data Q1 0,25 0,125 0,25 0,25 0,88 The formation of human populations in South and Q1 0,25 0,125 0,25 0,25 0,88	pubbl N. 22		01	0.25	U 125	0.25	0.05	0.00
pubbl N. 24 diffusion using genomic data Q1 0,25 0,125 0,25 0,25 0,88 The formation of human populations in South and Central Asia Q1 0,25 0,125 0,25 0,25 0,88		Genomic evidence for the Pleistocene and recent population history of Native					,	
pubbl N. 24 diffusion using genomic data Q1 0,25 0,125 0,25 0,25 0,88 The formation of human populations in South and Central Asia Q1 0,25 0,125 0,25 0,25 0,88	μαμυί ΙΝ. ΖΟ	Inferring patterns of folktale	QT.	0,25	0,125	0,25	0,25	0,88
The formation of human populations in South and Central Asia Q1 0,25 0,125 0,25 0,88	pubbl N. 24		Q1	0.25	0.125	0.25	0.25	0.88
pubbl N. 25 Central Asia Q1 0,25 0,125 0,25 0,25 0,88		The formation of human		5,20	0,120	0,20	0,20	0,00
	pubbl N. 25		Q1	0,25	0,125	0,25	0,25	0,88
1 7.1.7/1								23,97

La candidata presenta 25 pubblicazioni scientifiche su riviste internazionali con IF per un valore totale di **punti 23,97**. Il valore di Impact Factor totale è di **173,419** per un valore di **punti 2**. Il totale della tabella B è 25,97.

Totale punti (tabella A+ tabella B) = 43,97

de

Attività istituzionali, organizzative e di servizio all'Ateneo (Punti attribuibili max 15)

Attività istituzionali, organizzative e di servizio ali Ateneo (Punti all'induidii max 15	
ATTIVITA'	PUNTI
E' valutato il volume e la continuità delle attività svolte, con particolare riferimento a incarichi di gestione e a impegni assunti in organi collegiali e commissioni, presso	Max15 punti
rilevanti enti pubblici e privati e organizzazioni scientifiche e culturali ovvero presso	
l'Ateneo e/o altri Atenei nazionali ed esteri. Le attività istituzionali, organizzative e di servizio all'Ateneo con particolare riferimento alla partecipazione ai Collegi di	
Dottorato di Ricerca e al Coordinamento di Corsi di Studio verranno valutate	
positivamente con riferimento al grado di responsabilità, rappresentanza, impegno	×
temporale e continuità nel tempo.	
La candidata presenta i seguenti incarichi:	
1) Partecipazione a 3 Collegi di Dottorato di Ricerca di durata triennale	9
dell'Università degli Studi di Bologna senza interruzione (dal XIX° al XXXVI° ciclo)	,
1.1 ("BÍODIVERSITA' ED EVOLUZIONE" dal 2003 al 2012 (dal ciclo XIX al ciclo	
XXVIII); 1.2 "SCIENZE DELLA TERRA, DELLA VITA E DELL'AMBIENTE" dal 2013 al	
2017 (dal ciclo XXIX al ciclo XXXIII);	
1.3 "TECNOLOGIE INNOVATIVE E USO SOSTENIBILE DELLE RISORSE DI	
PESCA E BIOLOGICHE DEL MEDITERRANEO (FISHMED-PHD)" dal 2018 ad oggi (dal ciclo XXXIV al ciclo XXXVI)	
2) Partecipazione a 4 mandati triennali di Coordinamento di Corsi di Studio	
punti 1 per singolo mandato fino a max 10 punti	
punti i per singolo mandato fino a max io punti	punti 10
3) Partecipazione a 5 Commissioni Dipartimentali (Commissione Ricerca;	
Commissione Laboratori; Commissione Iniziative Culturali; Commissione gruppo di lavoro per la VQR dipartimentale 2015-2019; Commissione	
Didattica) e 3 partecipazioni a Commissioni Nazionali e Internazionali di	
Dottorato.	
punti 1 per ogni singolo mandato fino ad un max di 5 punti	punti 5
parties of the same of the sam	9
	punti 15

Attività didattica - (Punti attribuibili max 40)

ATTIVITA'	PUNTI
Sono valutati il volume e la continuità delle attività congruenti con il SSD BIO/08, con	Max 30
particolare riferimento a insegnamenti di Corsi in Laurea triennali e magistrali di cui si è assunta la responsabilità.	punti sulla categoria
 Max 0,35 per ogni annualità accademica di corso in cui si è avuta la responsabilità 	
- Max punti 0,2 per ogni modulo di almeno 20 ore in cui si è avuta la responsabilità. La candidata presenta n . 96 corsi in cui ha avuto la responsabilità	
24 Sarrardata prosonta m 00 Soror m Sarria dvato la responsabilità	
	punti 30
Sono valutate le attività di tutorato delle tesi di laurea, di laurea magistrale e delle tesi	Max 10
di dottorato congruenti con il SSD BIO/08, i cui i candidati risultano essere i relatori, nonché le esercitazioni e il tutoraggio degli studenti	punti sulla categoria
 max punti 0.5 per ogni tesi di dottorato fino ad un max di 5 max punti 0.30 per ogni tesi magistrale fino ad un max di 4 	



max punti 0.25 per ogni tesi triennale fino ad un max di 1

LA candidata presenta 13 tesi di dottorato di cui risulta relatore, 66 tesi di laurea magistrale e 47 tesi di laurea triennale.

punti 5 per l'insieme delle tesi di dottorato

punti 4 per l'insieme delle tesi di laurea magistrale triennale seguite

punti 1 per l'insieme delle tesi di laurea magistrale triennale seguite

punti 10

Somma dei punteggi attribuiti dalla Commissione al candidato 43,97+ 15,0 + 40,0 = Punti 98,97



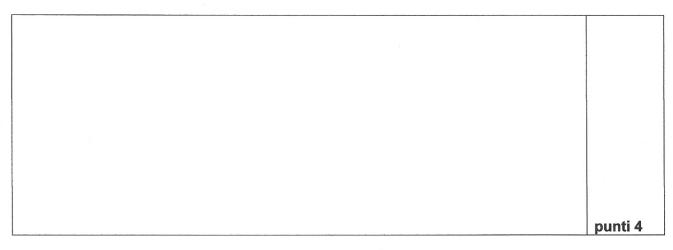
CANDIDATO 2 PROF. LUCA PAGANI

Attività di ricerca – (Punti attribuibili max 18)

Attività di liocioa	I alle accipation in
Tabella A - Attività	
ATTIVITA'	

Tabella A - Attività	
ATTIVITA'	PUNTI
organizzazione, direzione e coordinamento di centri o gruppi di ricerca nazionali e internazionali o partecipazione agli stessi e altre attività di ricerca quali la direzione o la partecipazione a comitati editoriali di riviste:	Max 8 punti sulla categoria
 Organizzazione, direzione e coordinamento di centri o gruppi di ricerca o partecipazione agli stessi (max punti 1,5 per singolo titolo). Il candidato presenta i seguenti incarichi: 	
 Coordinatore Research Group of Modern Population Genetics (Tartu); Coordinatore del Gruppo di Ricerca in Antropologia Molecolare (Padova) Junior Coordinator del progetto Internazionale African Genome Variation Project 	
Junior Coordinator del progetto Internazionale Ethiopian Genome Project.	punti 5,5
 Direzione o partecipazione a comitati editoriali di riviste (max punti 0.5 per singolo titolo). 	
Il candidato presenta il seguente incarico: Editorial Board Member at Human Population genetic and Genomics	punti 0,5
	punti 6
Conseguimento di premi e riconoscimenti nazionali e internazionali per attività di ricerca. (Max punti 0,75 per singolo titolo) Il candidato presenta i seguenti 4 premi: 1) Estonian National Science Prize; 2) ASHG C.J Epstein Trainee Award for Excellence in Human Genetics Research 3) ASHG Cotterman Award per il miglior paper su AJHG; 4) Domestic Research	Max 2 punti sulla categoria
Scholarship.	punti 2
Partecipazioni in qualità di relatore su invito a congressi e convegni di interesse nazionale ed internazionale <i>max punti 0,75 per singolo titolo</i>	Max 2 punti sulla
Il candidato presenta le seguenti attività: 3 relazioni su invito nazionali e 10 internazionali . Risulta inoltre organizzatore di 2 convegni nazionali, 1 Summer School internazionale e un simposio internazionale.	categoria
	punti 2
E' valutata la consistenza complessiva della produzione scientifica del candidato, l'intensità e la continuità temporale della stessa, fatti salvi i periodi, adeguatamente documentati, di sospensione del rapporto di lavoro e altri periodi di congedo o di aspettativa stabiliti dalle leggi vigenti e diversi da quelli previsti per motivi di studio.	Max 6 punti sulla categoria
Il Candidato presenta complessive n° 64 pubblicazioni (2008-2019) con IF H index= 22; totale citazioni 1666 (fonte Scopus ultimo disponibile) Numero pubblicazioni/anno carriera: 5,8	





Totale Tabella A: 6+2+2+4=14

Tabella B – Criteri di valutazione delle pubblicazioni

VALUTAZIONE ANALITICA PUBBLICAZIONI PRESENTATE			VOTO CRITERIO A	VOTO CRITERIO B	VOTO CRITERIO C	VOTO CRITERIO D	
			Congruenza con il settore scientifico- disciplinare BIO/08	Apporto individuale del candidato nel caso di partecipazione del medesimo a lavori in collaborazione	Originalità, innovatività, rigore metodologico e rilevanza	Rilevanza scientifica della collocazione editoriale di ciascuna pubblicazione e sua diffusione all'interno della comunità scientifica	Totale
pubbl N. 01	Genomic analyses inform on migration events during the peopling of Eurasia	Q1	0,25	0,25	0,25	0,25	1
pubbl N. 02	High altitude adaptation in Daghestani populations from the Caucasus	Q1	0,25	0,25	0,25	0,25	1
pubbl N. 03	Ethiopian Genetic Diversity Reveals Linguistic Stratification and Complex Influences on the Ethiopian Gene Pool;	Q1	0,25	0,25	0,25	0,25	1
pubbl N. 04	Tracing the Route of Modern Humans out of Africa by Using 225 Human Genome Sequences from Ethiopians and Egyptians	Q1	0,25	0,25	0,25	0,25	1
pubbl N. 05	Three Reportedly Unrelated Families With Liddle Syndrome Inherited From a Common Ancestor	Q1	0,25	0,25	0,25	0,25	1
pubbl N. 06	The African Genome Variation Project shapes medical genetics in Africa	Q1	0,25	0,25	0,25	0,25	11
pubbl N. 07	A general linear model-based approach for inferring selection to climate	Q2	0,25	0,25	0,25	0,25	1
pubbl N. 08	Multi-layered population structure in Island Southeast Asians	Q2	0,25	0,25	0,25	0,15	0,9



pubbl N. 09	Inferring patterns of folktale diffusion using genomic data;	Q1	0,25	0,25	0,25	0,15	0,9
oubbl N 10	Genome-wide evidence of austronesian-bantu admixture and cultural reversion in a hunter-gatherer	01	0.05	0.25	0.05	0.05	
oubbl N. 10	group of Madagascar Genetic Signatures Reveal High- Altitude Adaptation in a Set of Ethiopian Populations;	Q1 Q1	0,25	0,25	0,25	0,25	1
	West Asian sources of the Eurasian component in Ethiopians: a					0,25	
oubbl N. 12	reassessment	Q1	0,25	0,25	0,25	0,25	1
pubbl N. 13	Ancestry-specific analyses reveal differential demographic histories and opposite selective pressures in modern South Asian populations	Q1	0,25	0,25	0,25	0,25	1
pubbl N. 14	Disentangling Immediate Adaptive Introgression from Selection on Standing Introgressed Variation in Humans	Q1	0,25	0,25	0,25	0,25	1
pubbl N. 15	Human evolutionary history of Eastern Africa	Q1	0,25	0,25	0,25	0,25	1
pubbl N. 16	Mitochondrial and Y chromosome haplotype motifs as diagnostic markers of Jewish ancestry: a reconsideration	Q2	0,25	0,25	0,25	0,15	0,9
pubbl N. 17	The Genomic Impact of European Colonization of the Americas	Q1	0,25	0,125	0,25	0,25	0,88
pubbl N. 18	Multiple Deeply Divergent Denisovan Ancestries in Papuans	Q1	0,25	0,125	0,25	0,25	0,88
pubbl N. 19	Ancient human parallel lineages within North America contributed to a coastal expansion	Q1	0,25	0,125	0,25	0,25	0,88
pubbl N. 20	Deeply divergent archaic mitochondrial genome provides lower time boundary for African gene flow into Neanderthals	Q1	0,25	0,125	0,25	0,25	0,88
pubbl N. 21	A recent bottleneck of Y chromosome diversity coincides with a global change in culture	Q1	0,25	0,125	0,25	0,25	0,88
pubbl N. 22	Mountain gorilla genomes reveal the impact of long-term population decline and inbreeding	Q1	0,25	0,125	0,25	0,25	0,88
pubbl N. 23	Geographic population structure analysis of worldwide human populations infers their biogeographical origins	Q1	0,25	0,125	0,25	0,25	0,88
pubbl N. 24	Evidence for a Common Origin of Blacksmiths and Cultivators in the Ethiopian Ari within the Last 4500 Years: Lessons for Clustering-Based Inference	Q1	0,25	0,125	0,25	0,25	0,88
	Population structure of modern-day Italians reveals patterns of ancient and archaic ancestries in Southern Europe	Q1	0,25	0,125	0,25	0,25	0,88
pubbl N. 25	archaic ancestres in Southern Europe	W.I	0,20	0,120	0,20	٠,١٠٠	23,62



Totale punti (tabella A + tabella B=23,62)=37,62

Attività istituzionali, organizzative e di servizio all'Ateneo (Punti attribuibili max 15)

Attività istituzionali, organizzative e di servizio all'Ateneo (Punti attribuibili max	15)
ATTIVITA'	PUNTI
E' valutato il volume e la continuità delle attività svolte, con particolare riferimento a incarichi di gestione e a impegni assunti in organi collegiali e commissioni, presso rilevanti enti pubblici e privati e organizzazioni scientifiche e culturali ovvero presso l'Ateneo e/o altri Atenei nazionali ed esteri.	punti sulla categoria
Le attività istituzionali, organizzative e di servizio all'Ateneo con particolare riferimento alla partecipazione ai Collegi di Dottorato di Ricerca e al Coordinamento di Corsi di Studio verranno valutate positivamente con riferimento al grado di responsabilità, rappresentanza, impegno temporale e continuità nel tempo.	
Partecipazione ai Collegi di Dottorato e Coordinamento Corsi di studio punti 1 per ogni singolo mandato fino ad un max di 10 punti	
Il candidato presenta i seguenti incarichi:	
Partecipazione a 1 Collegio di Dottorato di Ricerca di durata triennale: 1.1 "BIOSCIENZE"-2018-in corso- Università di Padova	punti 3
Partecipazioni ad altri incarichi istituzionali punti 1 per ogni singolo mandato fino ad un max di 5 punti	
Partecipazioni a 4 Commissioni Dipartimentali (Commissione Terza Missione; Commissione Comunicazione; Membro della Commissione, Musei del Dipartimento di Biologia UniPd; Commissione valutatrice dei progetti di ricerca (CDPA) del Dipartimento di Biologia UniPd); 1 partecipazione al Consiglio Direttivo del Centro di Ateneo per i Musei (CAM) UniPd per i musei di Antropologia e Zoologia; 1 attività istituzionale come Responsabile scientifico delle collezioni museali del dipartimento di Biologia per i musei di Antropologia e Zoologia UniPd; 1 partecipazione come Membro Stirring Committee dell'Estonian Biocentre;	
3 partecipazioni a Commissioni Nazionali e Internazionali di Dottorato	punti 5
	punti 8

Attività didattica - (Punti attribuibili max 40)

ATTIVITA'	PUNTI
Sono valutati il volume e la continuità delle attività congruenti con il SSD BIO/08, con particolare riferimento a insegnamenti di Corsi in Laurea triennali e magistrali di	Max 30
cui si è assunta la responsabilità.	categoria



- Max 0,35 per ogni annualità accademica di corso in cui si è avuta la responsabilità
- Max punti 0,2 per ogni modulo di almeno 20 ore in cui si è avuta la responsabilità.

Il candidato presenta n. 8 corsi in cui ha avuto la responsabilità e n. 2 moduli

Punti attribuiti 3.2

Altra attività didattica

Punti attribuiti 0.6

Punti 3.8

Sono valutate le attività di tutorato delle tesi di laurea, di laurea magistrale e delle tesi di dottorato congruenti con il SSD BIO/08, i cui i candidati risultano essere i relatori, nonché le esercitazioni e il tutoraggio degli studenti

Max 10 punti sulla categoria

- max punti 0.5 per ogni tesi di dottorato fino ad un max di 5
- max punti 0.30 per ogni tesi magistrale fino ad un max di 4
- max punti 0.25 per ogni tesi triennale fino ad un max di 1

Il candidato presenta 5 tesi di dottorato di cui risulta relatore, 10 tesi di laurea magistrale e 4 tesi di laurea triennale.

punti 2,5 per l'insieme delle tesi di dottorato

punti 3 per l'insieme delle tesi di laurea magistrale sequite punti 1 per l'insieme delle tesi di laurea triennale seguite

Il candidato presenta inoltre 8 correlazioni di tesi e 4 anni di didattica integrativa punti 2

punti 8,5

La Commissione ha verificato la conoscenza della lingua (ove prevista)

Somma dei punteggi attribuiti dalla Commissione al candidato 37,62 + 8,0 + 12,3 = 57,92 Punti



Prot. n. 0135359 del 13/07/2020

PROCEDURA SELETTIVA BANDITA AI SENSI DELL'ART. 18 LEGGE 240/2010 PER LA COPERTURA DI 1 POSTO DI PROFESSORE UNIVERSITARIO, FASCIA I, SETTORE CONCORSUALE 05B1, SSD BIO08-ANTROPOLOGIA BANDITA CON D.R. 53 del 21/01/2020 DAL DIPARTIMENTO DI BENI CULTURALI

DICHIARAZIONE

Il sottoscritto **Prof. David Caramelli**, in qualità di segretario della Commissione Giudicatrice della procedura selettiva a n. 1 posti bandita con DR n 53 del 21/01/2020, dichiara con la presente di aver partecipato in via telematica, allo svolgimento dei lavori della Commissione giudicatrice effettuata con modalità collegiale mediante videoconferenza in collegamento da

Univ. di Firenze dalle ore 16:00 alle ore 20:00 del giorno 9 luglio 2020.

Dichiara di sottoscrivere il verbale redatto in data 9 luglio 2020 trasmesso all'Ufficio Concorsi Docenti per i provvedimenti di competenza a cura della Prof. Olga Rickards.

In fede

Prof. David Caramelli

Druid aroule

Allegare copia documento di riconoscimento

Prot. n. 0135359 del 13/07/2020

PROCEDURA SELETTIVA BANDITA AI SENSI DELL'ART. 18 LEGGE 240/2010 PER LA COPERTURA DI 1 POSTO DI PROFESSORE UNIVERSITARIO, FASCIA I, SETTORE CONCORSUALE 05B1, SSD BIO08-ANTROPOLOGIA BANDITA CON D.R. 53 del 21/01/2020 DAL DIPARTIMENTO DI BENI CULTURALI

DICHIARAZIONE

Il sottoscritto **Prof. Francesco Cecconi**, in qualità di componente della Commissione Giudicatrice della procedura selettiva a n. 1 posti bandita con DR n 53 del 21/01/2020, dichiara con la presente di aver partecipato in via telematica, allo svolgimento dei lavori della Commissione giudicatrice effettuata con modalità collegiale mediante videoconferenza in collegamento da Roma dalle ore 16:00 alle ore 20:00 del giorno 9 luglio 2020.

Dichiara di sottoscrivere il verbale redatto in data 9 luglio 2020 trasmesso all'Ufficio Concorsi Docenti per i provvedimenti di competenza a cura della Prof. Olga Rickards.

In fede

Prof. Francesco Cecconi

Allegare copia documento di riconoscimento